

Journée utilisateurs Orbitrap

5 Décembre, Paris



09:30	Accueil des participants
09:45 – 10:00	Introduction – Bienvenue
10:00 – 10:30	Présentation du Q Exactive HF-X et nouvelles perspectives d'analyse en haute résolution avec les Tribrid Orbitrap Fusion Lumos <i>Sega Ndiaye, Thermo Fisher Scientific</i>
10:30 – 11:00	ZipChip™ + Thermo Scientific™ MS -- A Simple, Fast, and Efficient CE-MS Platform to Empower Bioanalysis <i>Kai Zhou, Thermo Fisher Scientific</i>
11:15 – 12:15	Sessions Parallèles
12:15	Pause Déjeuner
13:45 – 15:15	Sessions Parallèles
15:15 – 15:30	Pause Café
15:30 – 16:15	Sessions Parallèles
16:15	Conclusion
16:45	Fin

Agenda Journée Utilisateurs Orbitrap – Sessions parallèles

Session protéomique

11:15 – 11:45	SLIM-labeling a new tool for quantitative proteomics <i>Jean-Michel Camadro, Institut Jacques Monod</i>
11:45 – 12:15	Performance evaluation of Data Independent Acquisition and Data Dependent Acquisition workflows <i>Anne-Marie Hesse, CEA de Grenoble</i>
12:15	Pause Déjeuner
13:45 – 14:15	Combined laser microdissection and proteomic analysis for identification of tumor signatures <i>Anne-Aurélien Raymond, Université de Bordeaux</i>
14:15 – 14:45	How to have your cake and eat it too: Hybrid spectral library generation strategies with Spectronaut Pulsar <i>Jan Muntel, Biognosys</i>
14:45 – 15:15	Identifying auto-immune beta cell epitopes in type 1 diabetes by HLA peptidomics <i>Sergio Gonzalez-Duque, SMBP ESPCI</i>
15:15 – 15:30	Pause Café
15:30 – 16:15	Proteome Discoverer et nouveautés logiciel <i>Bernard Delanghe, Thermo Fisher Scientific</i>

Session petites molécules – Métabolomique, Environnement, Sécurité Alimentaire, Toxicologie

11:15 – 11:45	Untargeted high-resolution mass spectrometry analysis of the exposome: the case of pesticides <i>Emilien Jamin, INRA de Toulouse</i>
11:45 – 12:15	L'UPLC-Q-Exactive au service de l'Exobiologie : de la recherche en laboratoire à l'analyse in situ de biomarqueurs organique <i>Pauline Poinot, Université de Poitiers</i>
12:15	Pause Déjeuner
13:45 – 14:15	Sub second quantitative mass spectrometry analysis no longer a fiction with fiber coupled LDTD-Orbitrap <i>Jean Lacoursière, Phytronix Technologies</i>
14:15 – 14:45	A non-targeted UHPLC-HRMS Metabolomics Pipeline for Metabolite Identification; Application to Cardiac Remote Ischemic Pre-Conditioning (RIPC) <i>Judith Kouassi Nzoughet CNRS UMR 6015 – INSERM U1083, Université d'Angers</i>
14:45 – 15:15	Untargeted Metabolomics of Colorectal Cancer Using GC-Orbitrap <i>Nicolas Di Giovanni, University of Liège</i>
15:15 – 15:30	Pause Café
15:30 – 16:15	Compound Discoverer et nouveautés logiciel <i>Marie-Pierre Pavageau, Thermo Fisher Scientific</i>